

## ANÁLISE MOLECULAR E EPIDEMIOLÓGICA DO POLIMORFISMO *CYP2E1\*6* EM PACIENTES COM CÂNCER COLORRETAL

Roliana B Leis<sup>1</sup>; Glaucia MM Fernandes<sup>2</sup>; Marcela A Proença<sup>3</sup>; Ana Livia S Galbiatti<sup>4</sup>; Anelise Russo<sup>4</sup>; Stephanie P Santos<sup>5</sup>; Ana Eliabete Silva<sup>6</sup>; João G Netinho<sup>7</sup>; Érika C Pavarino<sup>8</sup>; Eny M Goloni-Bertollo<sup>8</sup>

<sup>1</sup>Acadêmica de Medicina\*; <sup>2</sup>Mestranda da Unidade de Pesquisa em Genética e Biologia Molecular, UPGEM/FAMERP; <sup>3</sup>Mestranda da IBILCE/UNESP; <sup>4</sup>Doutoranda da UPGEM/FAMERP; <sup>5</sup>Bolsista Técnico da FAPESP; <sup>6</sup>Professor Adjunto IBILCE/UNESP; <sup>7</sup>Professor Adjunto do Departamento de Cirurgia\*; <sup>8</sup>Professor Adjunto, Livre-Docente do Departamento de Biologia Molecular, UPGEM/FAMERP  
\*Faculdade de Medicina de São José do Rio Preto

**Fontes de Financiamento:** Bolsa de Iniciação Científica FAPESP 2012/2013; CAPES, CNPq **Apoio:** FAMERP/FUNFARME.

**Introdução:** O câncer colorretal (CCR) é o segundo mais frequente em países ocidentais. Os principais fatores de riscos são idade acima de 60 anos, história familiar da neoplasia, fatores dietéticos, hábitos de vida, doenças inflamatórias crônicas intestinais, condições hereditárias e alterações genéticas. Tem sido descrita a associação entre essa neoplasia e polimorfismos genéticos, como o *CYP2E1\*6*. **Objetivos:** analisar a frequência de polimorfismo e verificar a associação entre o polimorfismo *CYP2E1\*6* e as características clínicas dos pacientes com CCR. **Casuística e Métodos:** Foram incluídos 100 pacientes com câncer CCR (caso) e 200 indivíduos sem história de neoplasia (controle). As variáveis analisadas são idade, gênero, hábitos tabagista e etilista. A análise molecular do polimorfismo *CYP2E1\*6* está em andamento por PCR-RFLP, após extração do DNA a partir de sangue periférico. Para análise estatística foi utilizado o teste de Qui-Quadrado e a Regressão Logística Multivariada. **Resultados:** Foram coletadas 282 amostras, 82 do grupo caso e 200 do grupo controle. Foram genotipadas 45 amostras dos pacientes e 152 dos controles. A análise de Regressão Logística Múltipla mostrou que houve diferença estatisticamente significativa entre pacientes e controles em relação ao gênero ( $p=0,001$ ; OR=4,83; IC95%= 2,33-10,01) e à idade ( $p=0,044$ ; OR=2,50; IC95%=1,02-6,09) e à influência do polimorfismo *DraI-CYP2E1\*6* ( $p=0,023$ ; OR=2,25; IC95%=1,12-4,54). **Conclusão:** São fatores preditivos para CCR o gênero masculino, a idade e a presença do polimorfismo *DraI-CYP2E1\*6*.