

41. AVALIAÇÃO DA PRESENÇA DE GENES ESBL EM CEPAS DE ENTEROBACTERIACEAE ISOLADAS EM ÁGUA DE POÇOS ARTESIANOS DO MUNICÍPIO DE SÃO JOSÉ DO RIO PRETO

Fernanda M Rodrigues¹; Fernanda M Tollentino²; Mara C L Nogueira³

¹Acadêmica do 3º ano de Medicina da FAMERP; ²Pesquisadora do Instituto Adolfo Lutz;

³Docente do Departamento de Doenças Dermatológicas, Infecciosas e Parasitárias da FAMERP

Financiamento: Bolsa de Iniciação Científica - FAMERP

Introdução: Em São José do Rio Preto centenas de poços artesianos vem sendo instalados sem projetos adequados, sendo potenciais fontes de microrganismos patogênicos que podem causar principalmente infecções adquiridas através da via fecal-oral. A evidenciação de agentes patogênicos na água ocorre por métodos indiretos de investigação de bactérias de origem fecal, pesquisando-se bactérias indicadoras do grupo coliforme. Espécies da família Enterobacteriaceae são os patógenos mais frequentemente encontrados, e apresentam maior importância clínica. Além disso, podem apresentar resistência aos antimicrobianos beta-lactâmicos que é um problema de saúde pública, pois infecções por cepas resistentes são de difícil tratamento e aumentam as taxas de morbidade e mortalidade. **Objetivos:** Identificar a presença de enterobactérias em poços artesianos e identificar seu perfil de resistência aos antimicrobianos e os genes que codificam a produção de beta-lactamases de espectro estendido (ESBLs). **Métodos/procedimento:** Cepas de Enterobacteriaceae isoladas de amostras de água de poços artesianos localizados em São José de Rio Preto e identificadas no Laboratório de Microbiologia da FAMERP serão submetidas ao teste de susceptibilidade a antimicrobianos e posteriormente à investigação fenotípica adicional para a confirmação da produção de ESBLs pela utilização do método de disco aproximação ou sinergismo de disco duplo (DDS). A identificação dos genes de resistência que codificam ESBLs será realizada pela técnica de PCR e sequenciamento. **Resultados esperados:** Os dados obtidos, descrevendo a diversidade de enterobactérias encontradas e seu perfil fenotípico e genotípico de resistência poderão ser usados no planejamento de medidas de saneamento e ações de interesse da saúde pública.