

15. INCIDÊNCIA, FATORES DE RISCO E CONSEQUÊNCIAS DE DEFEITOS CONGÊNITOS EM RECÉM-NASCIDOS E NATIMORTOS

Agnes C Fett-Conte¹; Camila I F Oliveira²

¹Livre-Docente em Genética Humana e Médica do Departamento de Biologia Molecular da FAMERP; ²Doutoranda em Genética; IBILCE-UNESP

Financiamento: Bolsa de Auxílio à Pesquisa – FAMERP

Introdução: Os defeitos congênitos ou anomalias congênitas afetam cerca de 3 a 5% dos recém-nascidos e são considerados como uma das principais causas de morbidade e mortalidade no primeiro ano de vida, além de serem responsáveis por uma frequência elevada de perdas embrionárias e fetais. Possuem etiologias e fatores de risco variados, muitos ainda não conhecidos. Dados epidemiológicos brasileiros são escassos e incompletos. **Objetivos:** Este projeto propõe avaliar prospectivamente, a incidência, características (tipo e etiologia), fatores de risco e consequências de defeitos congênitos em todos os recém-nascidos e natimortos do município de São José do Rio Preto/SP, por seis meses. **Métodos:** Será uma investigação inédita, a primeira de base populacional no Brasil, realizada pela investigação da história clínica, com levantamento das características do conceito, dos antecedentes gestacionais e familiares, dados de sua evolução e documentação fotográfica, com uso de uma ficha padronizada elaborada pelos pesquisadores e consulta a prontuários médicos. Nos casos indicados, será realizado estudo cariotípico pela análise de metáfases obtidas de cultura de linfócitos. Também será avaliada a qualidade do preenchimento dos campos específicos sobre defeitos congênitos da Declaração de Nascido Vivo de cada criança. Os dados obtidos serão comparados com os de um grupo controle composto por recém-nascidos sem defeitos congênitos, nascidos no mesmo dia, do mesmo sexo e no mesmo hospital. **Resultados Esperados:** Os resultados poderão ampliar o conhecimento sobre as anomalias congênitas na população e fornecer subsídios para medidas preventivas, planejamento de ações de saúde pública e Aconselhamento Genético das famílias dos afetados.